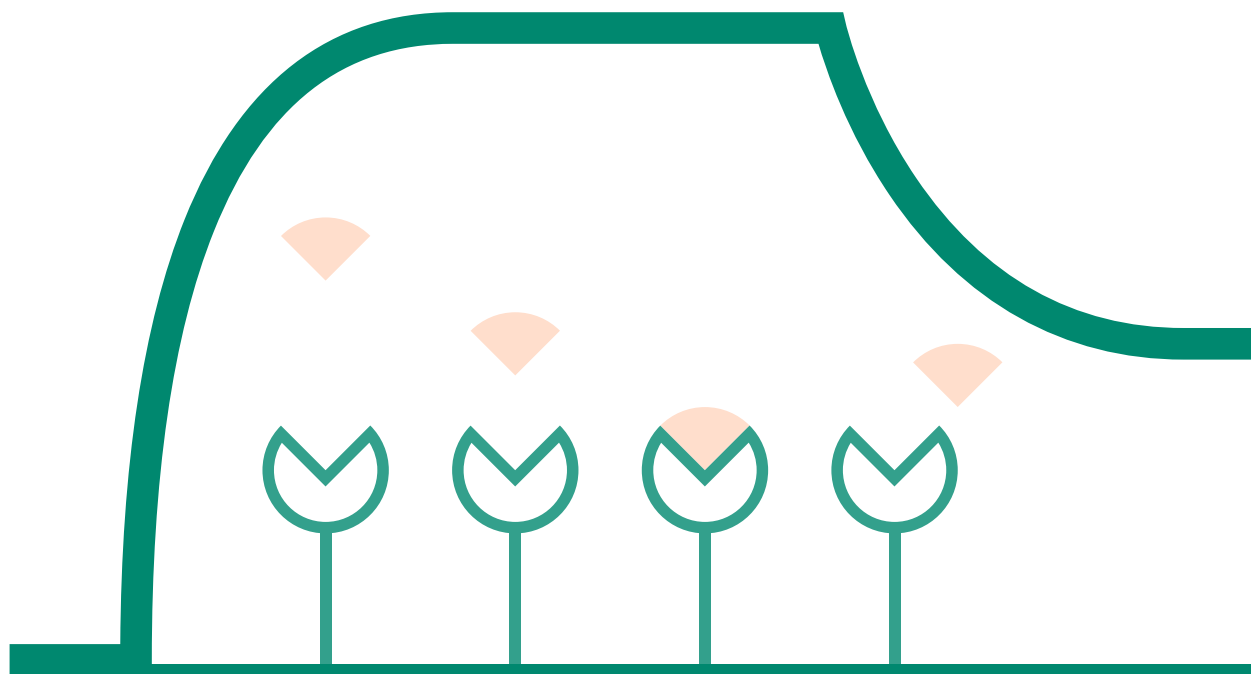


**Easy Biacore:**

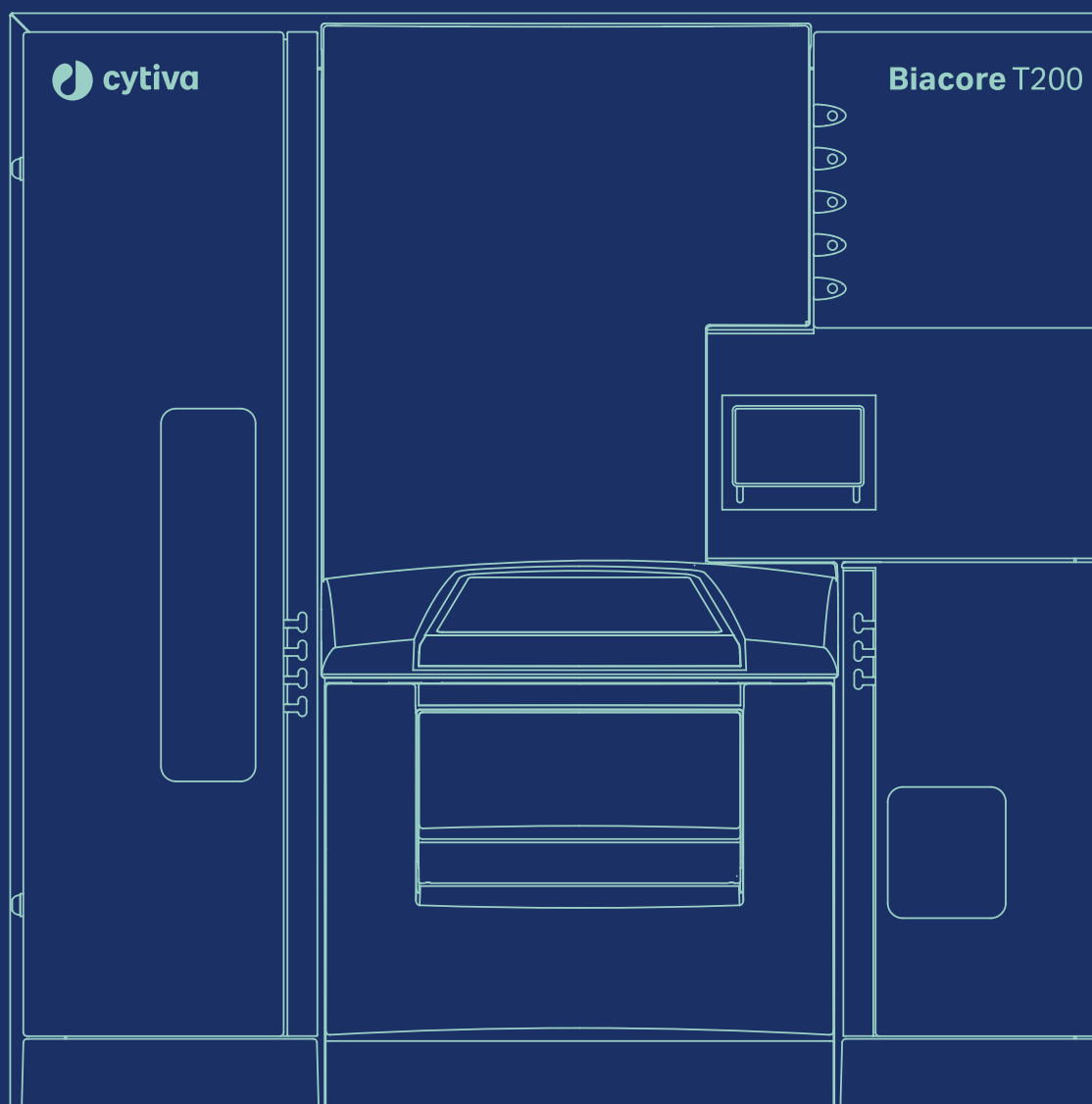
**利用Biacore T200检测蛋白与蛋白结合**

**——多循环动力学方式**



## 说明

- 实验前请详细阅读该指南，并准备好相应实验用品。该指南仅供类似实验参考，用户须根据实际样品来源、条件、目的调整各项实验参数。
- 本实验所用的机型：Biacore T200，若为其他机型，请按照对应机型的操作说明进行调整，或咨询Biacore 产品专家。
- 本文为简易版操作指南，用于初学者快速完成检测并获得数据。  
若想了解更多细节，可参考《Biacore 检测蛋白与蛋白结合操作指南》。



## 实验前准备



- S 系列 CM5 芯片, 货号: 29-1049-88 (一片装)、BR-1005-30 (三片装)、29-1496-03 (十片装), (注: 每张芯片若一次性使用, 可检测三对不同的互作, 若再生后重复使用, 只要蛋白一直有活性, 就可一直使用)。
- 氨基偶联试剂盒 (货号: BR-1000-50)(注: 里面的 EDC 和 NHS, 溶解后, 200ul 每管分装, -20°C 冻存, 后续实验前, 各取一管融化后使用即可)。
- 偶联 Buffer: 10mM 醋酸钠 pH4.0 (货号: BR-1003-49), 或 10mM 醋酸钠 pH4.5 (货号: BR-1003-50)。
- 缓冲液: 10 x HBS-EP+ (货号: BR-1006-69), 用去离子水稀释 10 倍, 配置 500 mL, 置于 T200 系统左侧托架上, 将缓冲液进液管 A 插入瓶中。
- 再生溶液 Glycine 1.5 (货号: BR-1003-54)。
- 无盖 1.5 ml EP 管 (货号: BR-1002-87)。
- 蛋白 A 和蛋白 B: 母液浓度 > 0.2 mg/mL, 蛋白总量至少各 20 µg。

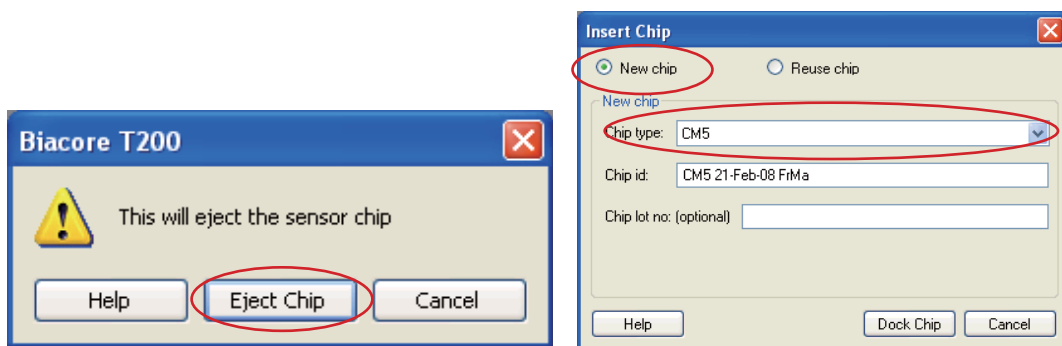


扫描二维码选择含上述所有耗材的套餐

## 实验步骤

### 芯片的放置与缓冲液置换

- 将运行缓冲液, 水瓶, 废液瓶分别放置在左右托盘中, 并插入相应的进液管。
- 点击 Biacore T200 Control Software 工具条中的  或 , 点击 Eject Chip, 打开芯片舱门。选择 New Chip, 现在 Chip type 为 CM5。



### 以本实验为例

- 手持芯片, 有字的一面朝上。按照芯片上的箭头方向, 将芯片轻轻推入卡槽, 最后合上芯片舱的舱门。点击 Dock Chip。结束后, 选择 Tools → Prime 命令, 点击 Start。结束后, 点击 Close, 系统自动转入待机 (Standby) 状态。

## 以本实验为例

- 手持芯片，有字的一面朝上。按照芯片上的箭头方向，将芯片轻轻推入卡槽，最后合上芯片舱的舱门。点击 Dock Chip。结束后，选择 Tools → Prime 命令，点击 Start。结束后，点击 Close，系统自动转入待机 (Standby) 状态。

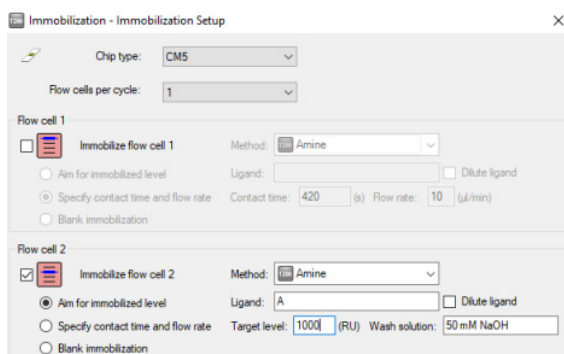


## 蛋白 A 偶联

- 点击控制软件 File 下面的 Open/New wizard template，选择 immobilization，双击。在 Chip type 中选 CM5，在 Flow cells per cycle 选 1。勾选 Flow cell 2，method 选用 amine，Ligand 输入配体名称 (本实验为 A)，选用 aim for immobilized level，Target level 输入配体目标偶联量 (参考表一)。点击 2 次 Next。

表 1. 偶联量与配体工作浓度参考表

分子量比 (配体 A/ 分析物 B)	≤1	1~5	5~10	10~50	>50
目标偶联量	500 RU	1000 RU	2000 RU	5000 RU	>10000 RU
配体工作浓度	2 µg/mL	10 µg/mL	20 µg/mL		50 µg/mL



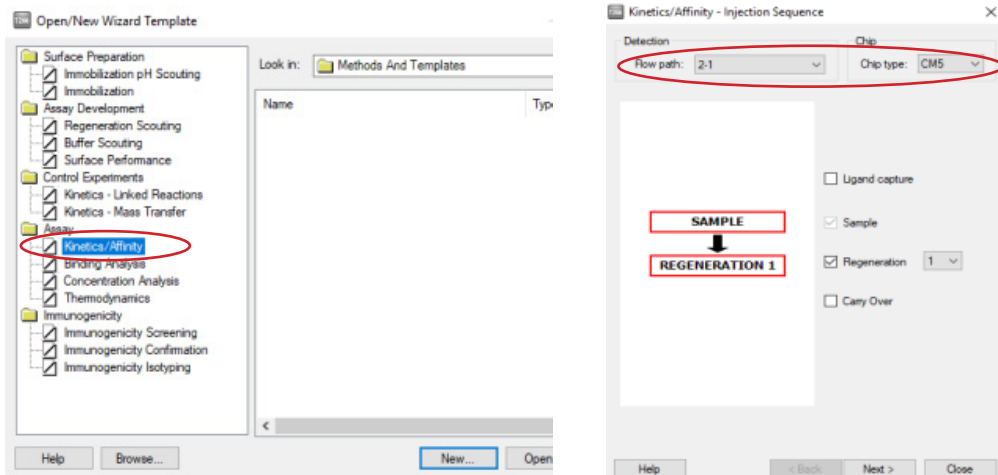
- 将 Reagent Rack 改为 Reagent Rack1，点开左下方 Menu 后选 Automatic Positioning，Vial size 选项选择 Medium，若要合并相同样品，pooling 选项选择 yes，点击 OK。根据下图中样品名称及体积 (大于该指定体积即可) 进行样品准备。配体蛋白用 pH4.0 的醋酸钠溶液稀释至对应浓度 (参考表一)。点击左下方 Eject Rack，取出样品架，将准备好的样品放到对应位置。盖上试管架盖子，将样品架送回样品舱。(注：所有 EP 管的盖子务必剪去)。

Position	Volume (µl)	Content	Type
R2 A1	166	A	Immob Fc 2
R2 A2	68	50 mM NaOH	Immob Fc 2
R2 A3	99	EDC	Immob Fc 2
R2 A4	99	NHS	Immob Fc 2
R2 B1		Empty EDC/NHS, min. capacity 124µl	Immob Fc 2
R2 B2	139	Ethanolamine	Immob Fc 2

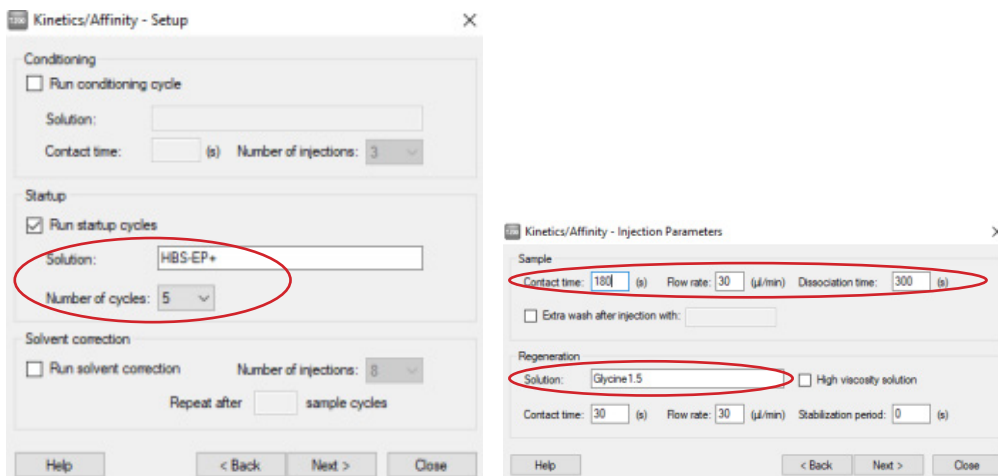
- 点击 Next，点击 start，保存 method 与 result 文件。系统将自动在芯片表面包被目标偶联量的配体蛋白，并自动生成偶联报告。
- 偶联结束后，即可进入下一步实验，无需等待基线平衡。

## 多循环动力学检测

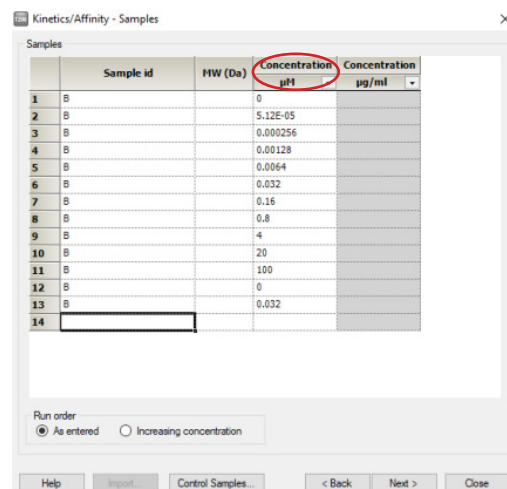
- 点击控制软件 File 下面的 Open/New wizard template，双击 Kinetics/Affinity。将 Flow path 点为 2-1（如果蛋白偶联在 flow cell 4，则选 4-3），Chip type 选择 CM5。点击 Next。



- Startup 中 Solution 填 HBS-EP+，Number of cycle 改为 5，点击 Next。Sample 中 Contact time 为 180s（或 120s），Dissociation time 为 300s，Regeneration 中 solution 为 Glycine 1.5。点击 Next。



- Kinetics/Affinity-Sample 界面，填写分析物信息：Sample id 填写样品名称，Concentration 填写分析物系列浓度（由低到高、五倍稀释），注意浓度单位选择，推荐浓度如下：偶联结束后，即可进入下一步实验，无需等待基线平衡。



- 点击 2 次 Next。将 Reagent Rack 改为 Sample and Reagent Rack1( 或根据样品数量选择其他 rack 或 96/384 孔板)，再点开左下方 Menu 后选 Automatic Positioning, Vial size 选项选择 Medium, 若要合并相同样品, pooling 选项选择 yes, 点击 OK。根据下图样品名称及体积 (大于该指定体积即可) 进行样品准备。蛋白 B 母液先用左托盘中的运行缓冲液 1x HBS-EP+ 稀释至 100 $\mu$ M, 再用 1x HBS-EP+ 进行 5 倍稀释。点击左下方 Eject Rack, 取出样品架。根据图示样品位置进行放置, 盖上试管架盖子, 将样品架送回样品舱。(注: 所有 EP 管的盖子务必剪去)。点击 Next, 对方法进行保存, 再对数据路径 (可使用系统默认的, 也可自行指定, 注意所保存的文件名及指定文件夹名均不能有中文字符) 进行保存, 仪器便会开始自动运行。


Kinetics/Affinity - Rack Positions

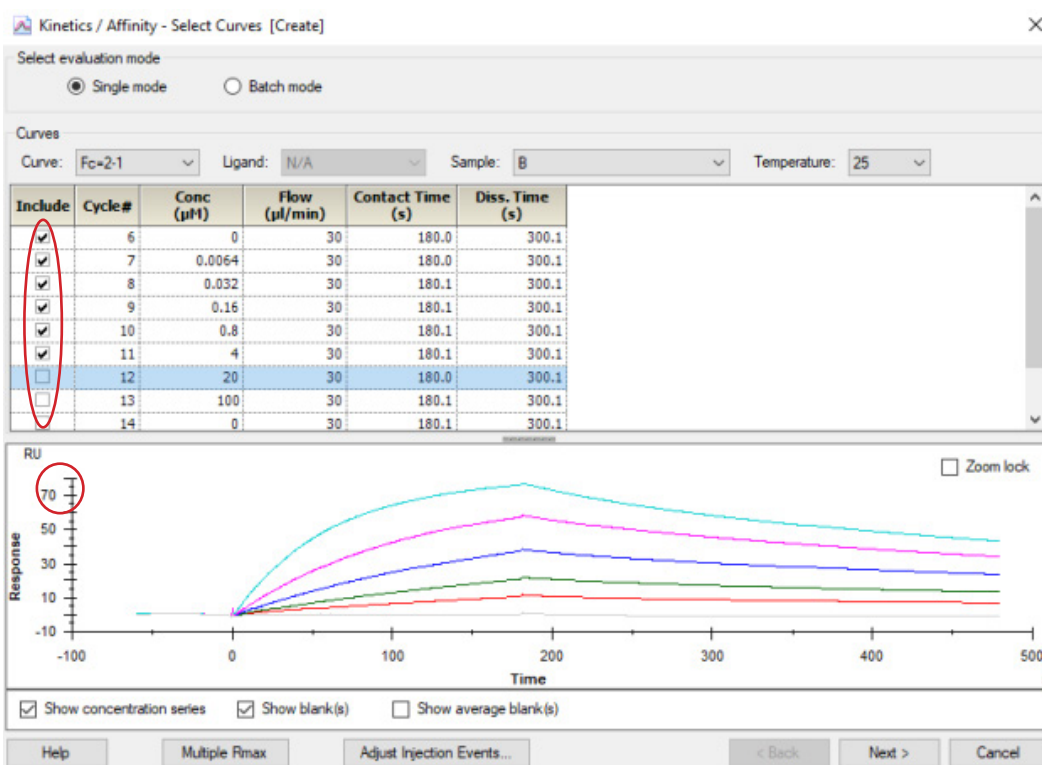
Sample and Reagent Rack 1

Position	Volume ( $\mu$ l)	Content	Type	Sample 1 Conc ( $\mu$ M)	Sample 1 MW (Da)
R1 D1	296	B	Sample	0	
R1 D2	158	B	Sample	5.12E-05	
R1 D3	158	B	Sample	0.000256	
R1 D4	158	B	Sample	0.00128	
R1 D5	158	B	Sample	0.0064	
R1 D6	296	B	Sample	0.032	
R1 D7	158	B	Sample	0.16	
R1 D8	158	B	Sample	0.8	
R1 D9	158	B	Sample	4	
R1 D10	158	B	Sample	20	
R1 D11	158	B	Sample	100	
R1 D12	710	HBS-EP+	Startup		
R1 E1	866	Glycine1.5	Regeneration		

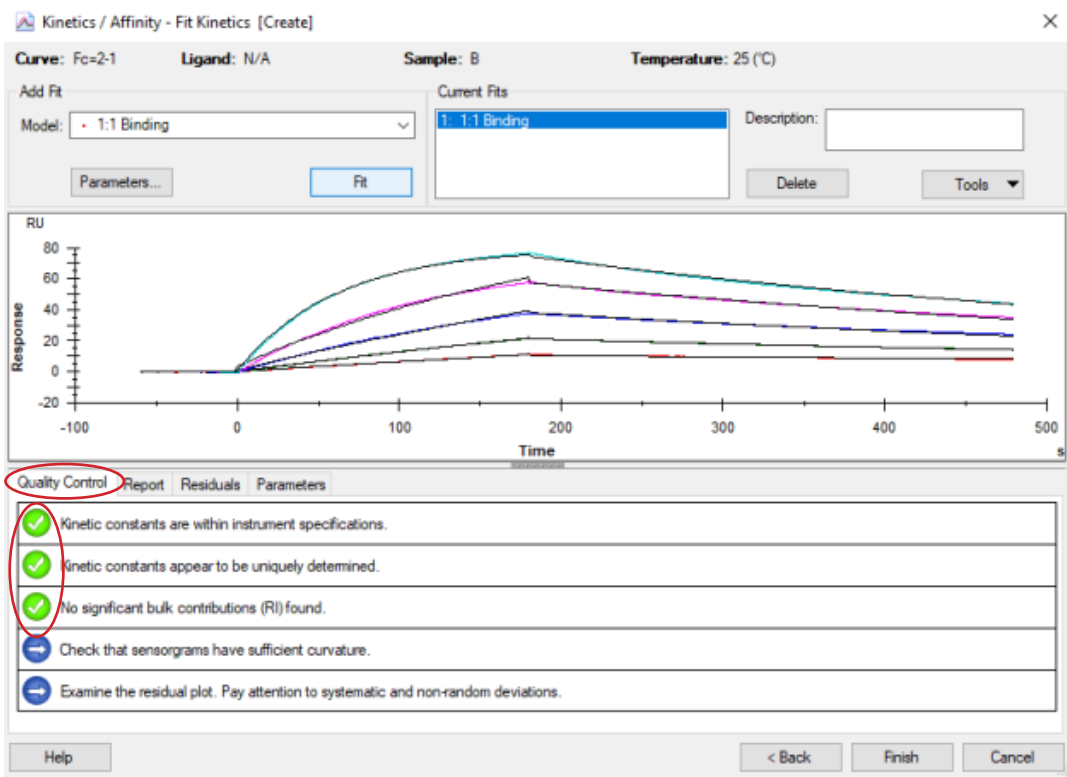
Help Menu Eject Rack < Back Next > Close

## 结果分析

- 打开 Biacore T200 Evaluation Software, 点击  找到保存的结果文件。点击左侧 Plot 中的 Binding to reference, 检查各个点是否趋于一致或小于 binding level 中对应响应值的 20%, 再检查 binding level 各个点的响应值是否存在明显的浓度依赖。如是, 直接跳到下一步。注: 若 Binding to reference 各个点的响应值也存在浓度依赖且大于 binding level 中对应响应值的 20%, 即存在非特异性结合。此时可尝试提高运行缓冲液中盐离子浓度或提高 P20 (货号: BR-1000-54) 浓度不超过 1%, 或者调换配体与分析物, 将 B 偶联在芯片上, 将 A 作为分析物。若 baseline 中各个点的响应值上飘, 可适当延长 glycine 1.5 溶液的进样时间。
- 点击上方中间位置的 Kinetics/Affinity, 在下拉栏里点击 Surface bound, 在跳出的窗口中选择不同的浓度进行拟合。选择标准为: 如果最高浓度响应值大于 500 RU, 选最低的 5 个浓度分析, 如果最高浓度响应值小于 50 RU, 选最高的 5 个浓度进行数据分析, 介于两者中间, 随意选 5 个连续的浓度进行分析。不需要的浓度, 可在样品浓度表格中将此浓度前的对号去掉即可。



- 点击右下角 Next, 再点击右下角 Kinetics (当传感图为“快上快下”时, 选 Affinity), 点击左上角 Fit 进行数据拟合, 点击右下角 Finish 完成。
- 在下方数据显示栏里, Quality Control 的前三项都亮绿灯表示检测数据好; 如果亮黄灯, 表示数据能接受; 如果亮红灯, 表示数据不能接受, 需要优化实验。数据显示栏的 Report 中显示具体的分析数据, 包括动力学数据  $k_a$ 、 $k_d$ , 亲和力数据  $K_D$  等。以本实验为例, 动力学数据:  $K_a = 3672 \text{ M}^{-1}\text{s}^{-1}$ ,  $K_d = 0.001807 \text{ s}^{-1}$ , 亲和力:  $K_D = 4.921 \times 10^{-7} \text{ M}$ 。
- 将鼠标放在图上, 点击右键可以直接 copy graph (small, medium, large) 用于文章发表, 也可以右键点击 export curve, 导出 txt 文本后自行用第三方软件作图。



Quality Control    Report    Residuals    Parameters

Curve	ka (1/Hs)	kd (1/s)	KD (M)	Rmax (RU)	Conc (M)	tc	Flow (ul/min)	kt (RU/Hs)	RI (RU)	Chi² (RU²)	U-value
	3672	0.001807	4.921E-7			5.442E+6				0.399	1
Cycle: 7 0.0064 µM				6384	6.400E-9		30.00	1.691E+7	0.5383		
Cycle: 8 0.032 µM				1515	3.200E-8		30.00	1.691E+7	0.3630		
Cycle: 9 0.16 µM				481.0	1.600E-7		30.00	1.691E+7	1.140		
Cycle: 10 0.8 µM				165.0	8.000E-7		30.00	1.691E+7	3.317		
Cycle: 11 4 µM				88.25	4.000E-6		30.00	1.691E+7	1.002		

如有问题，请拨打免费技术热线  
 请拨 400-810-9118





## 关于 Cytiva ( 思拓凡 )

作为全球生命科学行业的先行者，Cytiva 致力于促进与加速全球医疗的发展。Cytiva 年销售额超过 33 亿美元，并在全球 40 多个国家拥有近 7000 名员工。作为值得信赖的合作伙伴，Cytiva 全面助力客户提升研究与生产流程中的速度、效率与能力，赋能创新型药物的发展和生产，惠及全球患者。

智荟专线：400-810-9118

官微订阅号：Cytiva

官微服务号：CytivaChina

### **cytiva.com**

Cytiva 和 Drop 标识是 Global Life Sciences IP Holdco LLC 或其附属公司的注册商标。Cytiva 版权所有商品和服务的销售需遵守在 Cytiva 企业中运营之供应商公司的销售条款与条件。可应要求提供这些条款与条件的副本。如需了解最新信息，请联系您当地的 Cytiva 代表。如需查看当地办公室的联系信息，请访问 [cytiva.com/contact](http://cytiva.com/contact)。

CY19514-26Feb21-BR

